

Příloha 1

Sekvenční porovnání připravených konstruktů *cbf11(303-492)* a *cbf12(626-829)* v plasmidu pCR®2.1-TOPO® pomocí algoritmu BLAST.

Query - sekvenovaný fragment

Sbjct - očekávaná sekvence *cbf11(303-492)* nebo *cbf12(626-829)* spolu s „nástavci“ pro restriční štěpení

Sekvenovaný fragment 1-79 odpovídá vektoru pCR®2.1-TOPO®

CBF11 -1 identita: 100%

```
Query 80 AATGGATCCTTAGCCCACTATAGTCCAGCATAACAGAATCTCCAACCTCGAGTCATTTTCATT 139
          |||
Sbjct 591 AATGGATCCTTAGCCCACTATAGTCCAGCATAACAGAATCTCCAACCTCGAGTCATTTTCATT 532

Query 140 TGAACCTCAAGTTTCCAACAGCTTCCCATTTCTATGGGCAATATAGCCTCACTAGATGCATT 199
          |||
Sbjct 531 TGAACCTCAAGTTTCCAACAGCTTCCCATTTCTATGGGCAATATAGCCTCACTAGATGCATT 472

Query 200 TCTGTTTTGTGCCGACGTGGCCCAAGAAACCAACGGACTGAAATATTATTGGAATATGC 259
          |||
Sbjct 471 TCTGTTTTGTGCCGACGTGGCCCAAGAAACCAACGGACTGAAATATTATTGGAATATGC 412

Query 260 CAGTGAACCTATGCTCAGCGATCTTAAGATGCCGTACGTTTGATATGGGATATGCGCTTTC 319
          |||
Sbjct 411 CAGTGAACCTATGCTCAGCGATCTTAAGATGCCGTACGTTTGATATGGGATATGCGCTTTC 352

Query 320 TAATACAATTTCTATGCATTTGATTAACGTAACCGTCCTCCTCAGCAATGTGGTCTTTTTTC 379
          |||
Sbjct 351 TAATACAATTTCTATGCATTTGATTAACGTAACCGTCCTCCTCAGCAATGTGGTCTTTTTTC 292

Query 380 TACTCGTCGAATAAATTAAGGGTCACTCGTCGTTCTGTTGCTTCATCGACCAATTCAAC 439
          |||
Sbjct 291 TACTCGTCGAATAAATTAAGGGTCACTCGTCGTTCTGTTGCTTCATCGACCAATTCAAC 232

Query 440 GATGGAGCCATATTTAATGGGTTCTGGGTTATCGACATCGTCGCATACCTTCAGTTTACC 499
          |||
Sbjct 231 GATGGAGCCATATTTAATGGGTTCTGGGTTATCGACATCGTCGCATACCTTCAGTTTACC 172

Query 500 ATTTTCATCTGGTAATAGCAGGTTAATACGCAATGGCACCCATCTATCACCGCGAAGACA 559
          |||
Sbjct 171 ATTTTCATCTGGTAATAGCAGGTTAATACGCAATGGCACCCATCTATCACCGCGAAGACA 112

Query 560 AAACCTGACCAGCCTCAATCGATGTATACTTTGTACGTACAGTTTGTGAATTAATCCGGTT 619
          |||
Sbjct 111 AAACCTGACCAGCCTCAATCGATGTATACTTTGTACGTACAGTTTGTGAATTAATCCGGTT 52

Query 620 ATAAAGGCTGACGACTGAACCGGATCGCAACGTAATATTACTCATATGGTC 670
          |||
Sbjct 51 ATAAAGGCTGACGACTGAACCGGATCGCAACGTAATATTACTCATATGGTC 1
```

CBF12-1 identita: 100%

```
Query 80 GAAGGATCCTAGGAAATAATTGACCACATGGCTGACCAAGGAAGAACAGAATGAGTGGCT 139
|||||
Sbjct 629 GAAGGATCCTAGGAAATAATTGACCACATGGCTGACCAAGGAAGAACAGAATGAGTGGCT 570

Query 140 TTCGTGGGATCATTGGGATCTGAGTATTCTAATTCACCTGAAGTGAAACTGATTTCACTA 199
|||||
Sbjct 569 TTCGTGGGATCATTGGGATCTGAGTATTCTAATTCACCTGAAGTGAAACTGATTTCACTA 510

Query 200 GATTGTTTTTCATCTATATACAGGAAACGCTTGGTTTTCGTGACATTGAAAGGCTAGTTTG 259
|||||
Sbjct 509 GATTGTTTTTCATCTATATACAGGAAACGCTTGGTTTTCGTGACATTGAAAGGCTAGTTTG 450

Query 260 GAAAGACAATTAATGGCTTCACTTGGGGCCCTCGAAGAAAGCGATACCTTCCAATTATCG 319
|||||
Sbjct 449 GAAAGACAATTAATGGCTTCACTTGGGGCCCTCGAAGAAAGCGATACCTTCCAATTATCG 390

Query 320 TGCTTCTTTAATATCAAGGGCGGCGATTGCACACCGGTTATTTTGCTTACTAAAATGATA 379
|||||
Sbjct 389 TGCTTCTTTAATATCAAGGGCGGCGATTGCACACCGGTTATTTTGCTTACTAAAATGATA 330

Query 380 ACCATATTGGAGCACAACACTTTGCTTCTTGAGTCACTTGGATTGGAATTGTTTCCTTTG 439
|||||
Sbjct 329 ACCATATTGGAGCACAACACTTTGCTTCTTGAGTCACTTGGATTGGAATTGTTTCCTTTG 270

Query 440 TTAAGTTCATCGACAGAAAAATATAAAAAGGTTCCATAAATTGTTTGCCATAGCCAGG 499
|||||
Sbjct 269 TTAAGTTCATCGACAGAAAAATATAAAAAGGTTCCATAAATTGTTTGCCATAGCCAGG 210

Query 500 CCGGCACCTTCGTTTTTCAGCATCGTTAGGGGCGTCGGTGGTAGGGAAATAATTCGAATTG 559
|||||
Sbjct 209 CCGGCACCTTCGTTTTTCAGCATCGTTAGGGGCGTCGGTGGTAGGGAAATAATTCGAATTG 150

Query 560 TATTTTCATGTTAAGGGAAACTTTTGATATCGCTCTTTGAACATTGCTGGTACCTAGGAAT 619
|||||
Sbjct 149 TATTTTCATGTTAAGGGAAACTTTTGATATCGCTCTTTGAACATTGCTGGTACCTAGGAAT 90

Query 620 AATGCATTGTTATGCTGAGCCCGGTATCTGTTGAATAAAACAAACGCAATCACCATGGCGT 679
|||||
Sbjct 89 AATGCATTGTTATGCTGAGCCCGGTATCTGTTGAATAAAACAAACGCAATCACCATGGCGT 30

Query 680 ATGCTCATGTCAGACACTTTCATATGGTC 708
|||||
Sbjct 29 ATGCTCATGTCAGACACTTTCATATGGTC 1
```