

*Clostridium difficile* je významným původcem nemocničních střevních infekcí. Souhrnně jsou onemocnění způsobená *C. difficile* označována jako CDAD (*Clostridium difficile* associated disease) a v posledním desetiletí je pozorován celosvětový nárůst jejich výskytu a závažnosti. Přesto jsou údaje o výskytu CDAD v České republice značně omezené. Hlavním cílem této práce bylo pomocí metod PCR toxinotypizace, PCR ribotypizace a MLVA (multilocus variable number tandem repeat analysis) charakterizovat kmeny *C. difficile*, které byly izolovány od pacientů s gastrointestinální symptomatologií hospitalizovaných ve 4 pražských zdravotnických zařízeních v letech 2008 – 2011. Mezi 273 izoláty *C. difficile* jsme identifikovali 8 toxinotypů (0, III, IV, V, VI, VIII, IX a XXIII) a 63 ribotypů. Nejčastějšími byly ribotypy 596 (23,4 %), 017 (13,9 %) a 176 (7 %). Z hlediska zastoupení ribotypů se situace v České republice nejvíce podobá situaci v Polsku. Pomocí metody MLVA jsme kmeny patřící do ribotypů 017, 017/1 a 017/2 a ribotypů 596 a 596/1 zařadili do 5 a 4 klonálních skupin, žádná ze skupin ovšem neměla dominantní zastoupení v některé z nemocnic. *C. difficile* je také významný zvířecí patogen, proto jsme provedli studii, jejímž cílem bylo izolovat *C. difficile* ze stolice selat na náhodně vybrané farmě. *C. difficile* se nám podařilo izolovat z 19 vzorků ze 30 (63,3 %), všechny kmeny jsme zařadili do toxinotypu 0, ribotypu AI-12.