

Abstrakt

V současné době představují rDNA klastry zobrazené pomocí fluorescenční *in situ* hybridizace (FISH) jeden ze standardních cytogenetických markerů sloužící k identifikaci homologie chromozomů, což umožňuje stanovit mechanismy a případnou míru přestaveb během karyotypové evoluce studovaných skupin. Tato bakalářská práce předkládá souhrnný přehled variability rDNA klastrů u členovců s holocentrickými chromozomy. Většina doposud zkoumaných skupin (Odonata, Psocoptera, Hemiptera, Buthidae a rod *Rhipicephalus*) vykazuje poměrně konzervativní počet a pozici rDNA klastrů. Nicméně tento fakt může být způsoben omezeným počtem dostupných dat. Momentálně je nejlépe prozkoumaný řád Lepidoptera, u kterého byla zjištěna poměrně velká variabilita v počtu a pozici rDNA klastrů. Pravděpodobně je to důsledek chromozomové fúze/štěpení, chromozomových přestaveb nebo transpozice rDNA klastrů.

Klíčová slova:

rDNA klastry, holocentrické chromozomy, fluorescenční *in situ* hybridizace, členovci, evoluční dynamika, NOR