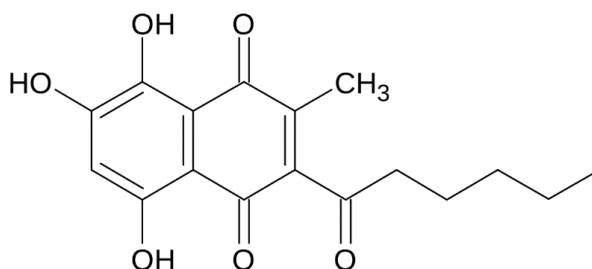
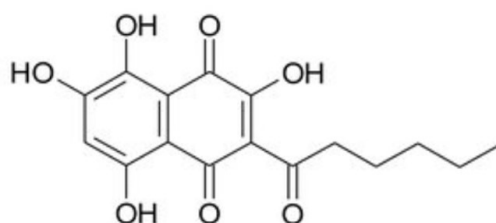


### 1. Strana 31 obrázek 12 – oprava struktury



By mělo být nahrazeno:



### 2. Strana 44 obrázek 15 – oprava legendy

Z porovnání obou chromatogramů je patrné, že takřka všechno množství aminokyselin se nachází v polární frakci a do polární frakce přešlo jen nepatrné množství aminokyselin.

By mělo být nahrazeno:

Z porovnání obou chromatogramů je patrné, že takřka všechno množství aminokyselin se nachází v polární frakci a do nepolární frakce přešlo jen nepatrné množství aminokyselin.

### 3. Strana 40 – Aminokyselinová analýza – oprava číslování tabulky

Pro separaci se využívá binárního koncentračního gradientu (viz tabulka 2), a to mobilní fáze A a B.

By mělo být nahrazeno:

Pro separaci se využívá binárního koncentračního gradientu (viz tabulka 1), a to mobilní fáze A a B.

### 4. Strana 47 – Buněčná linie Jurkat – oprava číslování tabulky

První zkoumanou linií byla buněčná linie Jurkat. Buňky byly spočítány a z daných hodnot byla vypočítána životaschopnost buněk jak u buněk kontrolních, tak u buněk ošetřených quambalarinem B (viz tabulka 3).

**By mělo být nahrazeno:**

První zkoumanou linií byla buněčná linie Jurkat. Buňky byly spočítány a z daných hodnot byla vypočítána životaschopnost buněk jak u buněk kontrolních, tak u buněk ošetřených quambalarinem B (viz tabulka 2).

**5. Strana 47 – Buněčná linie Jurkat – oprava číslování tabulky**

Dále byla provedena aminokyselinová analýza polárních frakcí buněčných kultur. Přepočítaná látková množství z plochy chromatografických vrcholů jsou zaznamenána v tabulce 4.

**By mělo být nahrazeno:**

Dále byla provedena aminokyselinová analýza polárních frakcí buněčných kultur. Přepočítaná látková množství z plochy chromatografických vrcholů jsou zaznamenána v tabulce 3.

**6. Strana 49 – oprava číslování tabulky**

Naměřená data byla opět přepočítána na látkové množství a vypočítána změna obsahu aminokyselin (viz tabulka 5, obrázek 20).

**By mělo být nahrazeno:**

Naměřená data byla opět přepočítána na látkové množství a vypočítána změna obsahu aminokyselin (viz tabulka 4, obrázek 20).

**7. Strana 51 – Buněčná linie Ramos – oprava číslování tabulky**

Stejně jako u předešlého měření byla vypočítána životaschopnost buněk po užití quambalarinu B (viz tabulka 6).

**By mělo být nahrazeno:**

Stejně jako u předešlého měření byla vypočítána životaschopnost buněk po užití quambalarinu B (viz tabulka 5).

**8. Strana 51 – Buněčná linie Ramos – oprava číslování tabulky**

A následně byla přepočítána plocha chromatografických vrcholů na látkové množství a vypočítána procentuální změna zastoupení jednotlivých aminokyselin u vzorků buněčných kultur (viz tabulka 7 a obrázek 21).

**By mělo být nahrazeno:**

A následně byla přepočítána plocha chromatografických vrcholů na látkové množství a vypočítána procentuální změna zastoupení jednotlivých aminokyselin u vzorků buněčných kultur (viz tabulka 6 a obrázek 21).

#### **9. Strana 54 – Buněčná linie THP-1 – oprava číslování tabulky**

U vzorků THP-1 byla vypočítána životaschopnost buněk (viz tabulka 9).

**By mělo být nahrazeno:**

U vzorků THP-1 byla vypočítána životaschopnost buněk (viz tabulka 8).

#### **10. Strana 54 – Buněčná linie THP-1 – oprava číslování tabulky**

V tabulce 10 jsou zaneseny data z tohoto měření a vypočítaná změna zastoupení jednotlivých aminokyselin.

**By mělo být nahrazeno:**

V tabulce 9 jsou zaneseny data z tohoto měření a vypočítaná změna zastoupení jednotlivých aminokyselin.

#### **11. Strana 54 – Buněčná linie THP-1 – oprava číslování tabulky**

Naměřená data jsou zaznamenána v tabulce 11 a obrázku 24 na straně 56.

**By mělo být nahrazeno:**

Naměřená data jsou zaznamenána v tabulce 10 a obrázku 24 na straně 56.

#### **12. Strana 58 – Buněčná média – oprava číslování tabulky**

Vypočítané hodnoty byly zprůměrovány a zapsány do tabulky 12.

**By mělo být nahrazeno:**

Vypočítané hodnoty byly zprůměrovány a zapsány do tabulky 11.