

Errata: Optimalizace metabolomického workflow: kritický pohled na krok přečištění vzorku

Jakub Eduard Syřínek

str. 46: Do směsného vzorku byl IS přidán tak, aby koncentrace d_6F a d_4T byly 10^{-7} g/ml. Z 600 μ l směsného vzorku tak bylo odebráno 6 μ l a nahrazeno 6 μ l roztoku IS.

str. 52:

Parametry pro vyhodnocení – MarkerLynx
Retenční čas: 0,5–13 min; zarovnání retenčního času: s přesností 0,1 min
Funkce detekce píku s přesností extrahované hmoty na 0,005 Da
Intenzita detekce nad $10E4$ četnosti pro dané m/z
Odstranění isotopů

str. 53: Pro zúžení a zpřesnění výběru markerů, byly vybrány jen ty m/z , kterým odpovídala hodnota intenzity jim přiřazená softwarem MarkerLynx vyšší než 0,0651. Intenzity přiřazené jednotlivým m/z softwarem MarkerLynx byly vztaženy na IS.

str. 72: Největší kladný vliv na počet nalezených PEG má z testovaných složení promývacího činidla 0,1% FA v MeOH a z testovaných složení elučního činidla 0,1% FA v 90% ACN.