

Cílem této diplomové práce bylo zmapovat výskyt ptačích druhů klošů v České republice, objasnit, jaké linie ptačích trypanosom tyto kloši přenášejí, a prozkoumat specificitu vůči vektorům u trypanosom dříve izolovaných z klošů. Během let 2017 – 2018 byly z pěvců odchyceny tyto ptačí kloši *Ornithomya avicularia* (91), *O. biloba* (267), *O. fringillina* (45), *Ornithoica turdi* (6), *Stenopteryx hirundinis* (1) a *Ornithophila metallica* (1). Potvrdila se hostitelská specifita vůči vlaštovkovitým u druhů *O. biloba* a *S. hirundinis*, Ostatní druhy klošů se vyskytovaly na tažných i stálých ptácích. Fylogenetická analýza genu pro cytochrom c oxidázu I, která zahrnovala i dříve necharakterizovaný druh *O. metallica*, odhalila příbuznost tohoto druhu s *O. turdi*.

Ptačí trypanosomy byly detekovány u *O. biloba* (prevalence 20 %), *O. avicularia* (prevalence 8 %) a *O. fringillina* (prevalence 4 %). Všechny trypanosomy izolované z klošů patřily do skupiny ptačích trypanosom corvi–culicavium. Fylogenetická analýza trypanosom potvrdila výskyt pěti dříve popsáných linií této skupiny, čtyři izoláty z ptačí krve tvořily dvě nové bazální skupiny. Většina sekvencí trypanosom izolovaných z klošů tvořila sesterskou skupinu dříve popsáným liniím.

Specifita vůči vektorům u jednotlivých linií ptačích trypanosom izolovaných z klošů byla zjišťována experimentálním sáním laboratorních komárů. K linii I (skupina corvi-culicavium) komáři nebyli vnímaví, je tedy možné, že je tato linie specifická pouze pro kloše. Při experimentálním sání na linii II docházelo k silným infekcím s vysokou prevalencí, následně se střevy nakažených komárů podařilo perorálně nakazit kanára. Kloš by tedy mohl být oportunní vektor této linie.