

Abstrakt

Z 23 evropských a severoamerických kmenů druhového komplexu *Euastrum humerosum/didelta* (Desmidiáles) jsem získala 3 evoluční linie v molekulárním markeru trnG^{ucc} intronu (druhého typu). U SSU intronu jsem nezískala signifikantní a jednotné výsledky. Je pravděpodobné, že jsou linie trnG^{ucc} intronu velice mladé. SEM odhalila jeden centrální pór a pětici hrbolků. Linie byly signifikantně odlišné svým tvarem a rozměry. V některých kmenech byla vysoká morfologická variabilita. Linie se lišily především délkou a šířkou buněk. Uvnitř morfotypu *E. humerosum* se linie lišily tvarem a rozměry polárního laloku. Uvnitř morfotypu *E. didelta* se linie lišily tvarem a rozměry krku. To bylo zjištěné geometrickou morfometrikou a měřením. Lineární diskriminační analýza krásivek z literatury odhalila, že je možné částečně odlišit skupiny variet (*E. humerosum* var. *parallelum* a *E. didelta* v linii A; dvě formy *E. didelta* f. *val Piora* a *E. didelta* f. *laticus* v linii B; *E. didelta* var. *inermiforme* a *E. humerosum* var. *affine* v linii C).

Klíčová slova: krásivky, druhy, skrytá diverzita, molekulární fylogenetika, geometrická morfometrika, *Euastrum*, skenovací elektronová mikroskopie