

Errata - diplomová práce

Název: Interakce polyomavirových struktur v endoplasmatickém retikulu a na cestě do jádra

Autor: Terezie Svobodová Rok obhajoby: 2017

Opravy:

Seznam zkratk, str. 12 a 13, doplnění:

ADAR adenosin deamináza, RNA specifická

HuR Hu antigen R

Literární přehled

Kapitola 3.1. str. 17-18

Správně je *Betapolyomavirus* nikoli *Bethapolyomavirus*.

Kapitola 3.2. str. 21

Původní znění: Struktura je uvedena na Obrázek 3.

Oprava: Struktura je uvedena na obrázku 3.

5.2. Metody

Doplnění:

5.2.6.4. Predikce proteinových hydrofobních a transmembránových domén

Pro predikci transmembránových a hydrofobních oblastí proteinu VP2 byly použity programy Membrane Protein explorer MPEx (dostupný: <http://blanco.biomol.uci.edu/mpex/>) a TMPred (online dostupný na http://embnet.vital-it.ch/software/TMPRED_form.html). MPEx predikuje transmembránové domény na základě fyzikálních vlastností aminokyselin, konkrétně na základě hydrofobicity. Programu TMPred používá k predikci transmembránových úseků statistickou analýzu databáze transmembránových proteinů. Analyzována byla vždy celá aminokyselinová sekvence proteinu.

5.2.6.3. Statistické metody

Pro statistické zhodnocení infekivity virů byl použit nepárový T-test. Použita byla data ze tří biologických opakování. Test byl proveden pomocí kalkulačky dostupné online: <https://www.graphpad.com/quickcalcs/ttest1/>.

6. Výsledky

kapitola 6.1.1. str.69

Původní znění: Pro infekci bylo použito inokulum MPyV, s datem přípravy 4. 11. 2013, třetí frakce, s imunofluorescenčním titrem $9,7 \times 10^7$ a hemaglutinačním titrem $8,10^{11}$.

Oprava: Pro infekci bylo použito inokulum MPyV, s datem přípravy 4. 11. 2013, třetí frakce, s imunofluorescenčním titrem $9,7 \times 10^7$ infekčních virionů/ml a s počtem virových částic 8×10^{11} na mililitr (vypočtených na základě hemaglutinačního testu).

Kapitola 6.3 str.93

Původní znění: Hemaglutinační titer druhé frakce D10A byl $1,44 \times 10^{11}$ a druhé frakce E17A $3,8 \times 10^{10}$.

Oprava: Počet virových částic vypočtených na základě hemaglutinačního testu byl v případě druhé frakce D10A $1,44 \times 10^{11}$ na ml a v případě druhé frakce E17A činil $3,8 \times 10^{10}$ na ml.

kapitola 6.3.1. str.97

Původní znění: Na gel jsme nanесли vzorky viru v objemech obsahujících stejná množství proteinů (koncentraci jsme změřili metodou Bredfordové, obrázek 22 – dolní panel).

Oprava: Na gel jsme nanесли vzorky viru v objemech obsahujících stejná množství proteinů (koncentraci jsme změřili metodou Bredfordové, obrázek 32 – dolní panel).

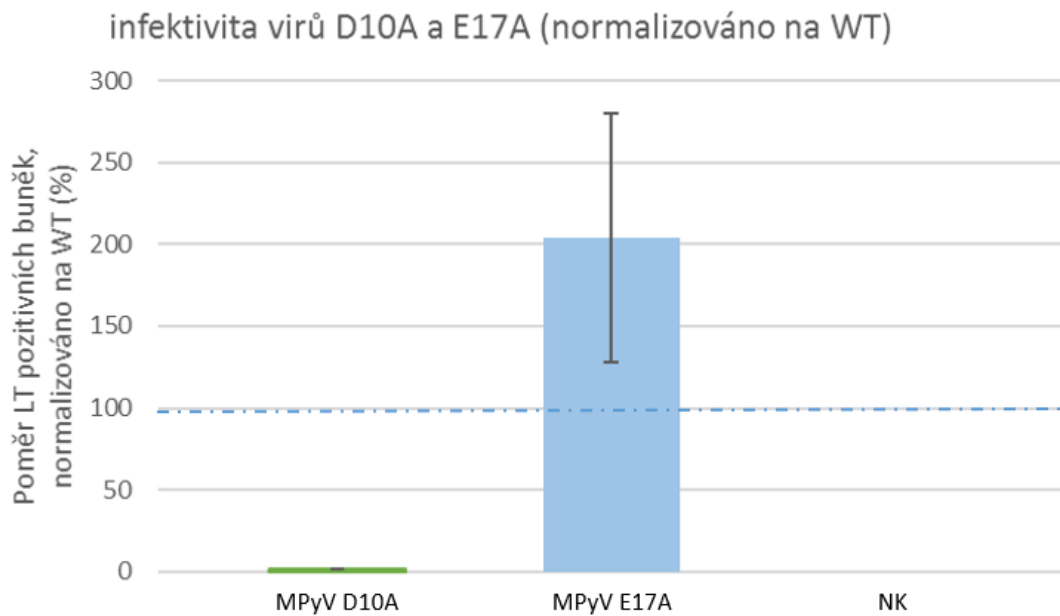
Kapitola 6.4. str.100

Původní znění: Kvantifikaci genomových ekvivalentů ve virovém inokulu jsme určili izolováním DNA z virionů a analýzou pomocí metody real-time PCR.

Oprava: Kvantifikaci genomových ekvivalentů ve virovém inokulu jsme určili izolováním DNA z virionů a analýzou pomocí metody real-time PCR za použití iQ™ SYBR® Green Supermix.

Kapitola 6.4. str. 101, graf 4

Oprava:



Kapitola 6.4. str. 105, graf 5

Oprava:

