

Opravný list k diplomové práci

ERRATA

Str. 36 (kapitola 3.1.8, první řádek):

Chybně: (kavkazská populace)

Správně: (česká populace)

Str. 45

Chybně:

Tab. 11: Složení směsi pro jednu Real – Time PCR reakci

Složka	Množství (μl)
TaqMan Gene Expression Master Mix	5
Assay-on-Demand Gene Expression Master Mix	0,5
H ₂ O	1
Celkem	6,5

Správně:

Tab. 11: Složení směsi pro jednu PCR reakci s využitím TaqMan[®] sond

Složka	Množství (μl)
TaqMan Universal PCR Master Mix	5
Assay (sonda)	0,5
H ₂ O	1
Celkem	6,5

Str. 48 (kapitola 3.4)

Doplňující věta:

Korelace mezi hladinami malondialdehydu a frekvencemi genotypu byly provedeny pomocí Mann-Whitney testu s hladinou významnosti 0,05. U statisticky významných rozdílů dat byla provedena Bonferroniho korekce na mnohočetná porovnání.

Str. 54 (druhý odstavec, druhý řádek):

Chybně: delečního

Správně: jiného

Str. 54 (třetí odstavec, druhý řádek zdola):

Chybně: delečního

Správně: jiného

Str. 55 (první odstavec, první věta)

Chybně: Za účelem ověření delečního polymorfizmu

Správně: Za účelem ověření přítomnosti jiného polymorfizmu

Str. 55 (druhý odstavec, první věta):

Chybně: několik

Správně: dalších

Str. 55 (druhý odstavec, poslední věta):

Chybně: delece

Správně: jiného polymorfizmu

Str. 55 (třetí odstavec, třetí věta zdola):

Chybně: null

Správně: neznámého genotypu

Str. 57 (druhý odstavec, první řádek)

Chybně: DM 1

Správně: T1D

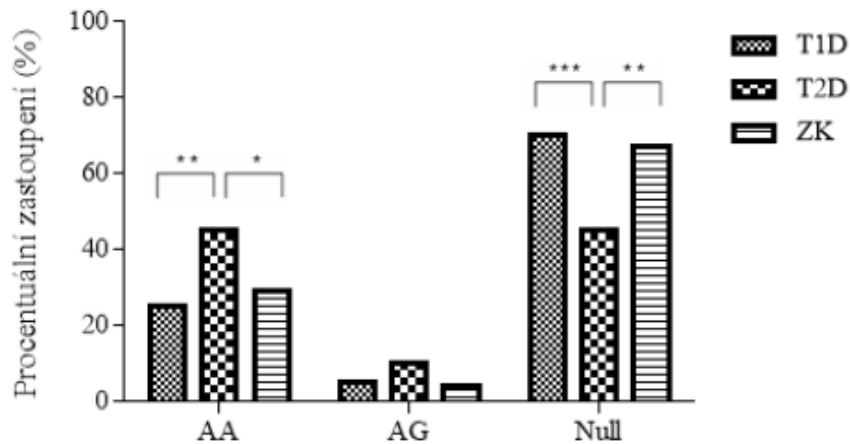
Str. 57 (druhý odstavec, poslední řádek)

Chybně: byla

Správně: nebyla

Str. 57 (Obr. 16)

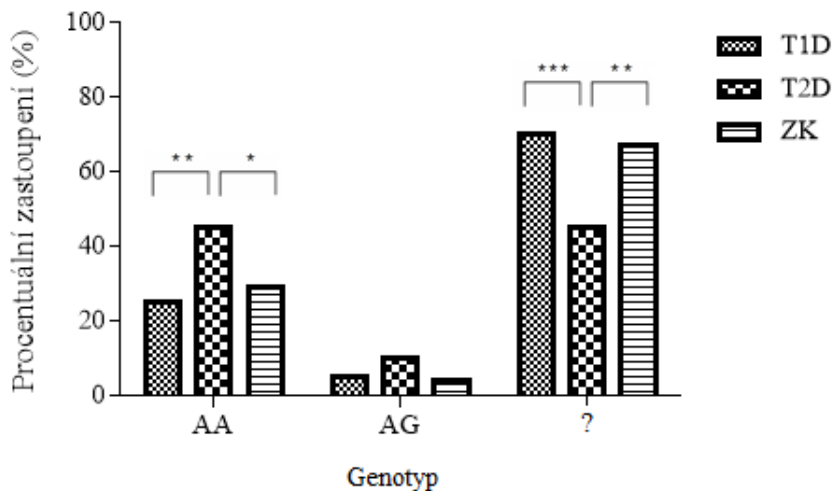
Chybně: Nesprávné označení genotypu Null; neúplný popis grafu; neúplná legenda grafu



Obr. 16: Porovnání distribuce genotypů genu *SOD1* mezi zkoumanými skupinami

* označuje signifikantní rozdíl na hladině významnosti 0,05, ** vysoký signifikantní rozdíl ($P = 0,0001-0,001$) a *** extrémně signifikantní rozdíl ($P < 0,0001$) dle Fisherova testu.

Správně: Neznámý genotyp označen „?“; doplněn popis grafu, doplněna legenda grafu



Obr. 16: Porovnání distribuce genotypů genu *SOD1* mezi zkoumanými skupinami

T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, AA – genotyp AA, AG – genotyp AG, ? – neznámý genotyp. * označuje signifikantní rozdíl na hladině významnosti 0,05, ** vysoký signifikantní rozdíl ($P = 0,0001-0,001$) a *** extrémně signifikantní rozdíl ($P < 0,0001$) dle Fisherova testu.

Str. 61 (Tab. 21)

Chybně: Zvýrazněná hodnota P je chybný údaj (bez provedení Bonferroniho korekce na mnohočetná porovnání); nedostatečný popis tabulky

<i>GSTTM1</i> / <i>GSTT1</i>	T2D % (n = 40)	ZK % (n = 45)	P-value	OR (95 % CI)
Wild type / Wild type	35.00 (14)	35.56 (16)	1.0000	0.9760 (0.4001-2.3810)
Null / Wild type	30.00 (12)	35.56 (16)	0.6481	0.7768 (0.3123-1.9320)
Wild type / Null	17.50 (7)	2.22 (1)	0.0235	9.3330 (1.0940-79.6400)
Null / Null	17.50 (7)	26.67 (12)	0.4349	0.5833 (0.2042-1.6670)

T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, n – počet (vyšetřených jedinců v dané skupině s výsledným genotypem). Hodnota P-value udává statistickou významnost na hladině 0,05 pro chí-kvadrát test, OR míru relativního rizika s intervalem spolehlivosti CI 95 %. Zvýrazněné hodnoty jsou statisticky významné.

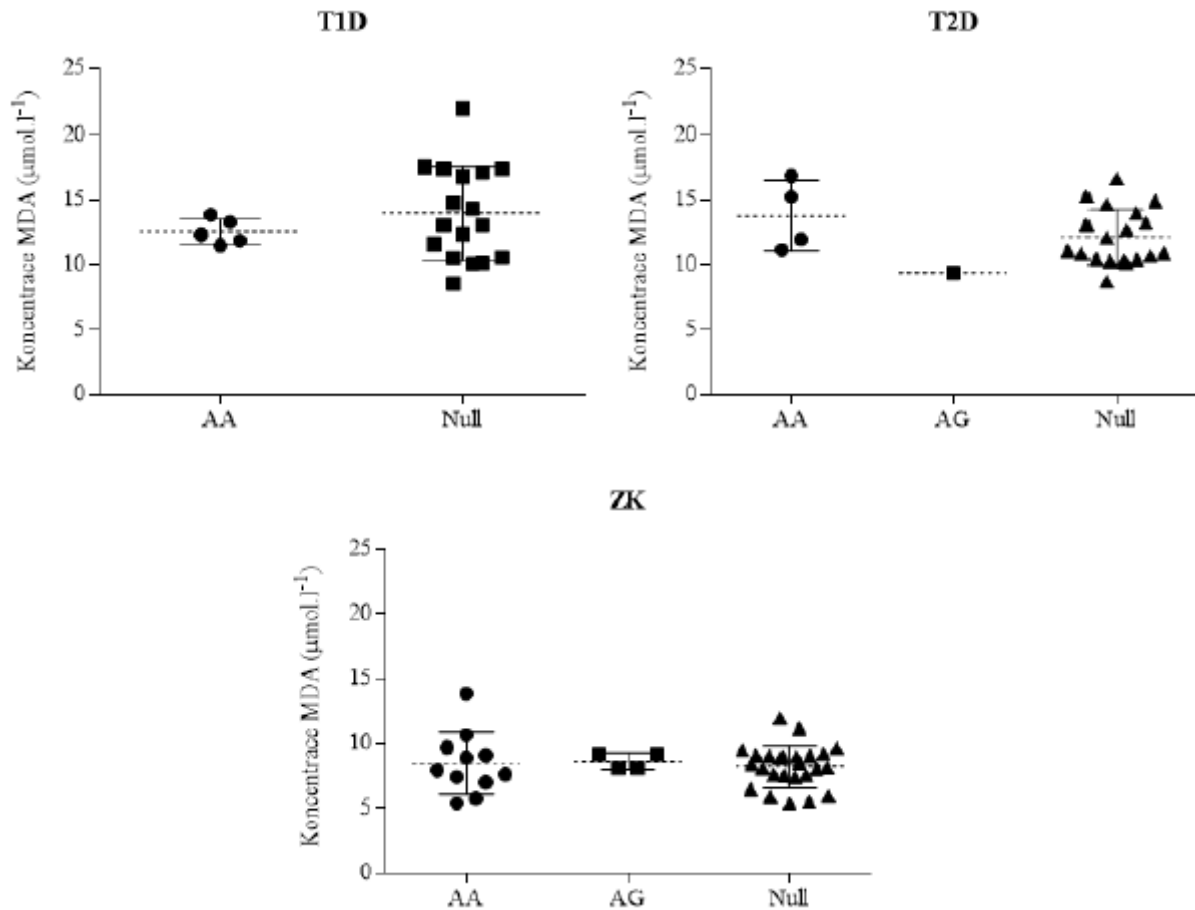
Správně: Červeně zvýrazněná hodnota s hvězdičkou je hodnota P po provedení Bonferroniho korekce na mnohočetná porovnání; upraven popis tabulky

<i>GSTTM1</i> / <i>GSTT1</i>	T2D % (n = 40)	ZK % (n = 45)	P-value	OR (95 % CI)
Wild type / Wild type	35.00 (14)	35.56 (16)	1.0000	0.9760 (0.4001-2.3810)
Null / Wild type	30.00 (12)	35.56 (16)	0.6481	0.7768 (0.3123-1.9320)
Wild type / Null	17.50 (7)	2.22 (1)	*0.0705	9.3330 (1.0940-79.6400)
Null / Null	17.50 (7)	26.67 (12)	0.4349	0.5833 (0.2042-1.6670)

T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, n – počet (vyšetřených jedinců v dané skupině s výsledným genotypem). Hodnota P udává statistickou významnost na hladině 0,05 pro chí-kvadrát test, OR míru relativního rizika s intervalem spolehlivosti CI 95 %. * označuje hodnotu P po provedení korekce na mnohočetná porovnání.

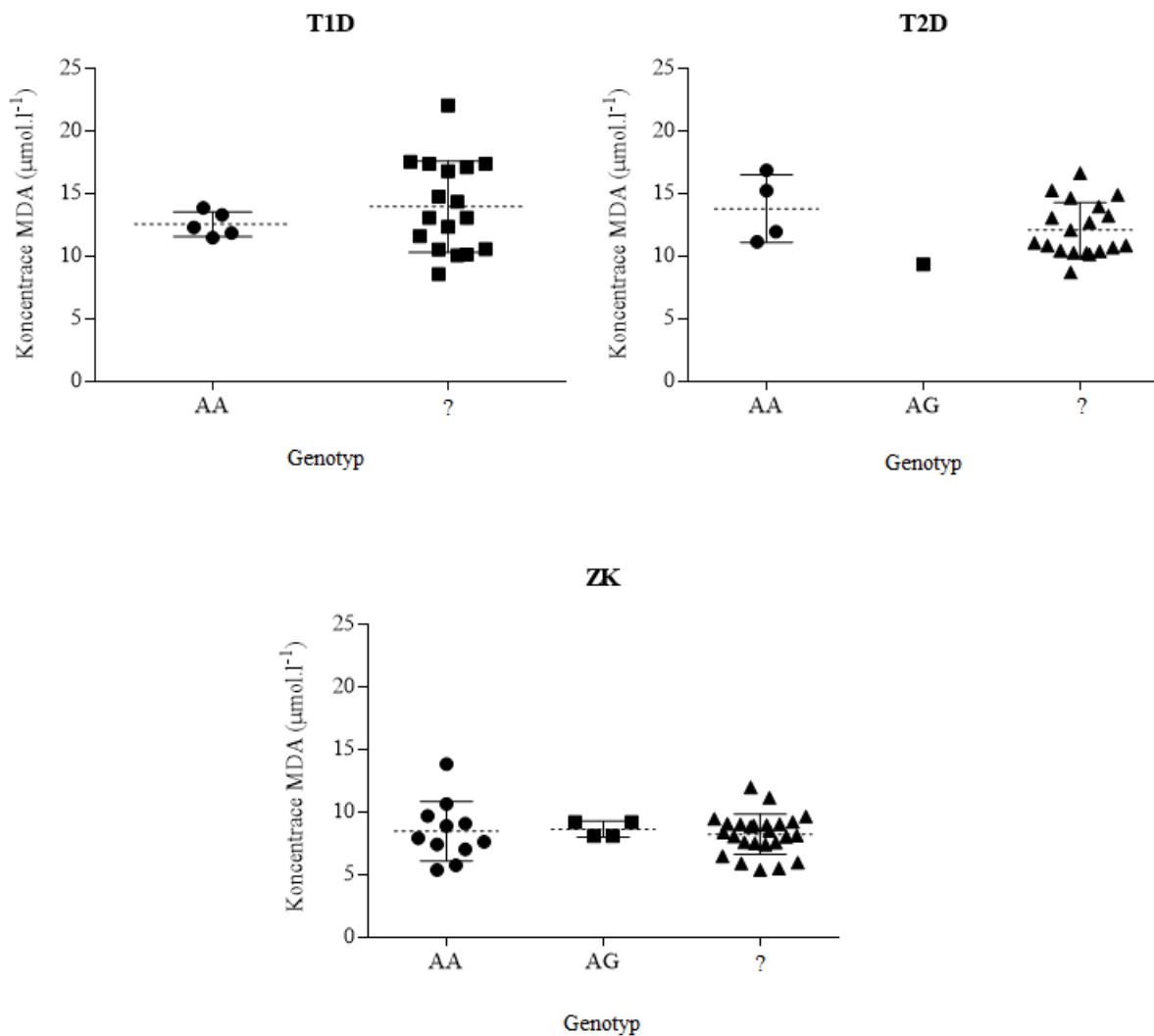
Str. 66 (Obr. 21)

Chybně: Přítomnost chybové úsečky u genotypu AG u grafu pro skupinu T2D; nesprávné označení genotypu Null; neúplný popis grafu; neúplná legenda grafu



Obr. 22: Korelace mezi genotypy genu *SOD1* a naměřenými hodnotami koncentrace MDA v plazmě u jednotlivých skupin jedinců
MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly.

Správně: Nepřítomnost chybové úsečky u genotypu AG u grafu pro skupinu T2D, neznámý genotyp označen „?“; doplněn popis grafu; doplněna legenda grafu



Obr. 21: Korelace mezi genotypy genu *SOD1* a naměřenými hodnotami koncentrace MDA v plazmě u jednotlivých skupin jedinců

MDA – malondialdehyd, AA – genotyp AA, AG – genotyp AG, ? – neznámý genotyp, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, ? – neznámý genotyp. Tečkovaná čára značí medián, spojené horizontální čáry značí chybovou úsečku.

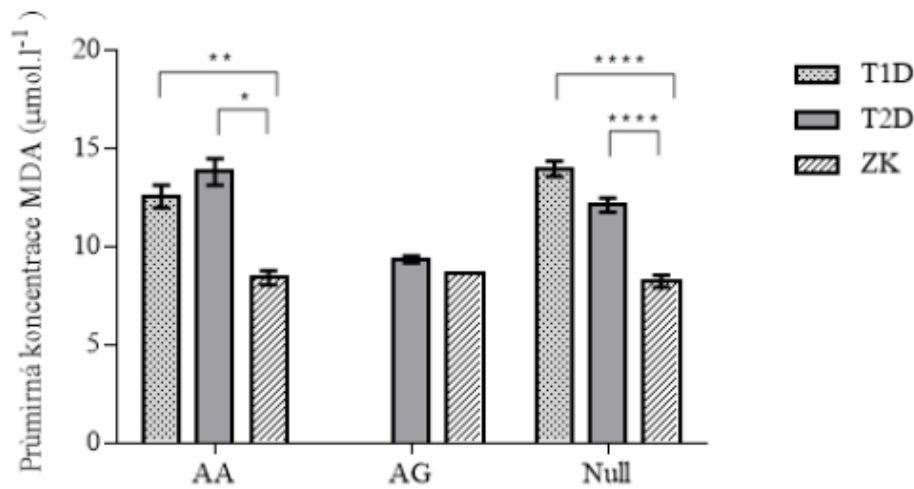
Str. 66 (čtvrtý řádek od konce)

Chybně: AG

Správně: AA

Str. 67 (Obr. 22)

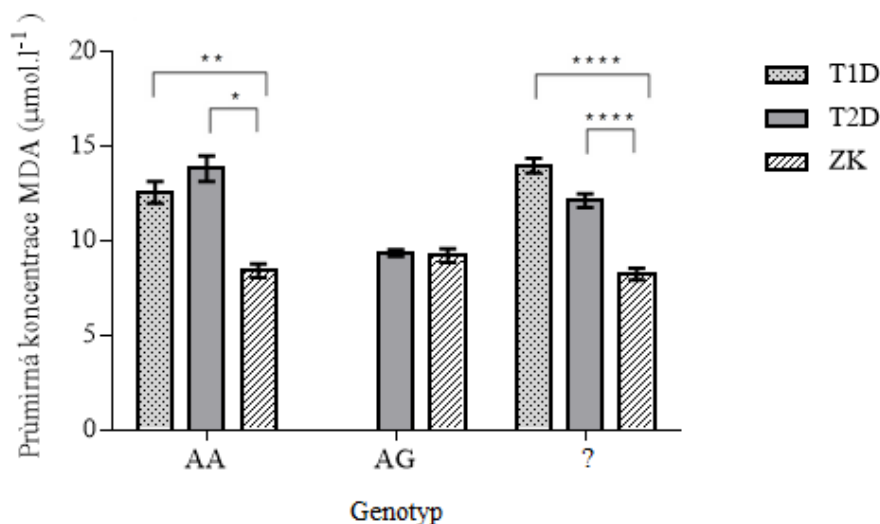
Chybně: U genotypu AG u skupiny ZK není přítomna chybová úsečka; nesprávné označení genotypu Null; neúplný popis grafu; neúplná legenda grafu



Obr. 22: Korelace mezi naměřenými hodnotami koncentrace MDA a genotypy genu *SOD1* mezi jednotlivými skupinami

* označuje signifikantní rozdíl, ** vysoce signifikantní rozdíl, *** extrémně signifikantní rozdíl mezi skupinami na hladině statistické významnosti 0,05 s využitím Mann-Whitneyho testu. MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly.

Správně: Chybová úsečka u genotypu AG u skupiny ZK; neznámý genotyp označen „?“; doplněn popis grafu; doplněna legenda grafu

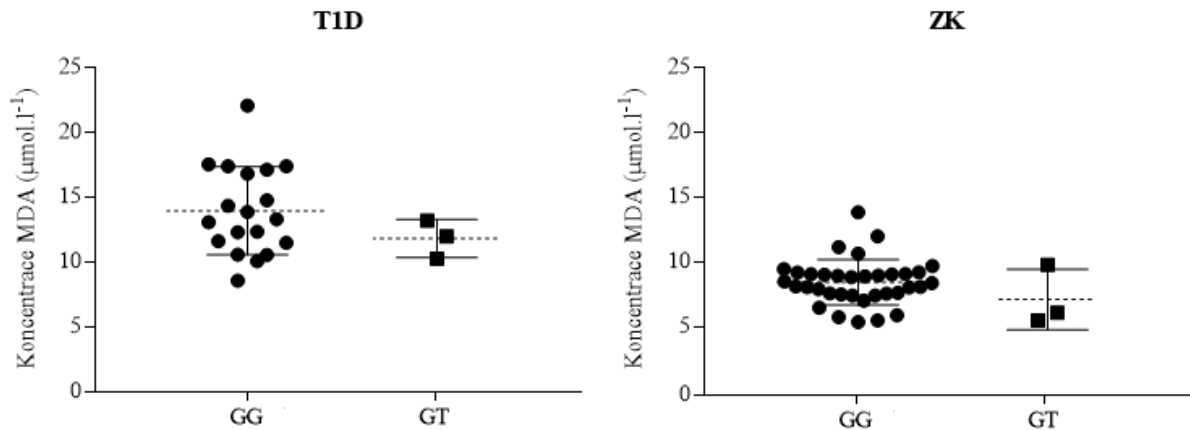


Obr. 22: Korelace mezi naměřenými hodnotami koncentrace MDA a genotypy genu *SOD1* mezi jednotlivými skupinami

MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D - pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, AA – genotyp AA, AG – genotyp AG, ? – neznámý genotyp. * označuje signifikantní rozdíl, ** vysoce signifikantní rozdíl, *** extrémně signifikantní rozdíl mezi skupinami na hladině statistické významnosti 0,05 s využitím Mann-Whitneyho testu.

Str. 67 (Obr. 24)

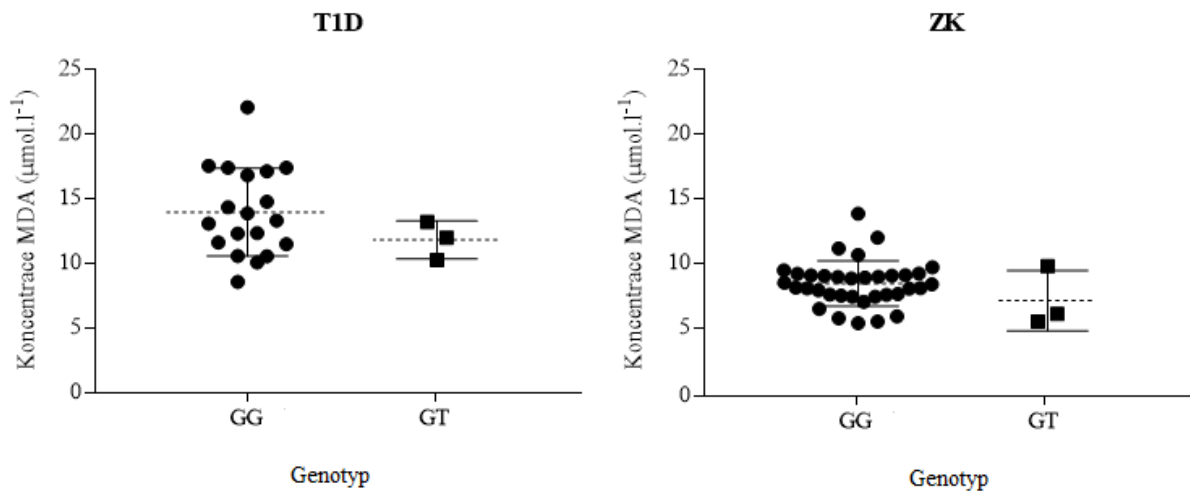
Chybně: Neúplný popis grafu; neúplná legenda grafu



Obr. 24: Korelace mezi genotypy genu *SOD3* a naměřenými hodnotami koncentrace MDA v plazmě u jednotlivých skupin jedinců.

MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, ZK – zdravé kontroly.

Správně: Doplněn popis grafu; doplněna legenda grafu

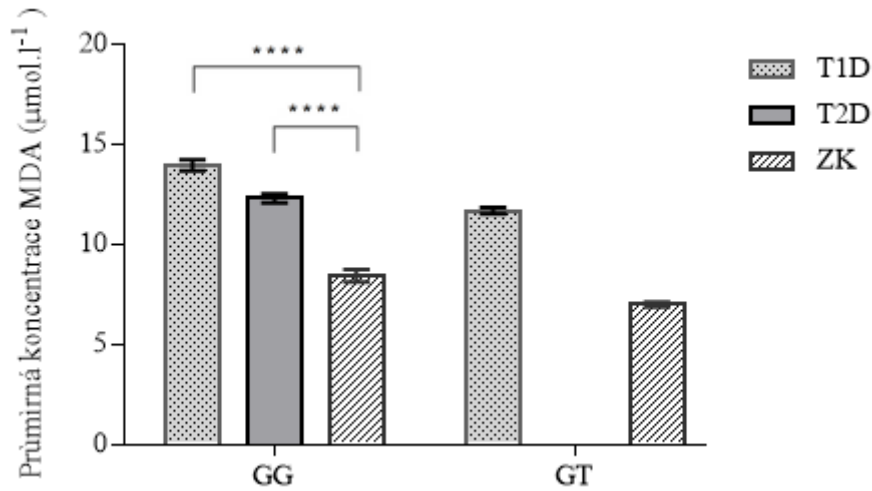


Obr. 24: Korelace mezi genotypy genu *SOD3* a naměřenými hodnotami koncentrace MDA v plazmě u jednotlivých skupin jedinců.

MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, ZK – zdravé kontroly, GG – genotyp GG, GT – genotyp GT.

Str. 68 (Obr. 25)

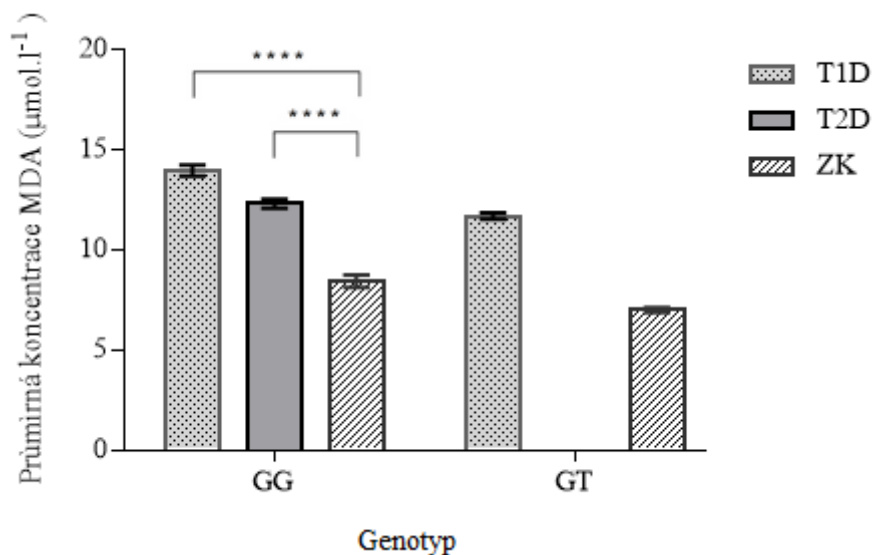
Chybně: Neúplný popis grafu; neúplná legenda grafu



Obr. 25: Korelace mezi naměřenými hodnotami koncentrace MDA a genotypy genu *SOD3* mezi jednotlivými skupinami

**** označuje statisticky vysoce významné rozdíly mezi skupinami na hladině statistické významnosti 0,05 s využitím Mann-Whitneyho testu. MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly.

Správně: Doplněn popis grafu; doplněna legenda grafu



Obr. 25: Korelace mezi naměřenými hodnotami koncentrace MDA a genotypy genu *SOD3* mezi jednotlivými skupinami

**** označuje statisticky vysoce významné rozdíly mezi skupinami na hladině statistické významnosti 0,05 s využitím Mann-Whitneyho testu. MDA – malondialdehyd, T1D – pacienti s diabetes mellitus 1. typu, T2D – pacienti s diabetes mellitus 2. typu, ZK – zdravé kontroly, GG – genotyp GG, GT – genotyp GT.

Str. 70 (třetí odstavec, třetí řádek)

Chybně: null

Správně: neznámý

Str. 70 (šestý řádek od konce)

Chybně: AA genotyp

Správně: AA + AG genotyp

Str. 71 (poslední odstavec)

Chybně: Při vyšetřování polymorfizmů rs 777169989 genu *GSTT1* a rs 72549311 genu *GSTMI* jsme prokázali jediný statisticky významný rozdíl mezi frekvencemi kombinovaných genotypů *GSTT1* null a *GSTMI* wild type mezi pacienty s T2D a zdravými jedinci ($P = 0,0235$).

Správně: Při vyšetřování polymorfizmů rs 777169989 genu *GSTT1* a rs 72549311 genu *GSTMI* jsme neprokázali žádný statisticky významný rozdíl ve frekvencích kombinovaných genotypů *GSTT1* a *GSTMI* mezi pacienty s diabetes mellitus a zdravými jedinci.

Str. 74 (první odrážka)

Chybně: Byl prokázán statisticky významný rozdíl ($P = 0,0235$) mezi frekvencemi genotypů *GSTT1* null a *GSTMI* wild type mezi zdravými jedinci a pacienty s T2D.

Správně: Tato věta není platná, tudíž v závěru uvedena být nemá.

Závěrem se všem omlouvám za vzniklé chyby.

20. září 2015

Lucie Kloboučková