

## Abstrakt

Předkládaná diplomová práce hodnotí riziko probíhající hybridizace (antropohybridizace) v populacích silně ohroženého taxonu *Prunus fruticosa* na území České republiky a v přilehlých oblastech. Pro studium hybridizace byla využita analýza absolutní velikosti genomu (stanovená pomocí průtokové cytometrie) spolu s klasickou a geometrickou morfometrikou.

Bylo zjištěno, že ke křížení *P. fruticosa* dochází ve stejné míře jak se zplanělou a na našem území nepůvodní *Prunus cerasus* (vzniká tetraploidní kříženec *Prunus* × *eminens*), tak s přirozeně se vyskytující *Prunus avium* (vzniká triploidní kříženec *Prunus* × *mohacsyana*). Výskyt triploidního hybridu byl na území České republiky podceňován (uváděn byl pouze tetraploidní hybrid), protože kříženci *P.* × *eminens* a *P.* × *mohacsyana* nejsou odlišitelní pomocí studovaných morfologických znaků. Díky odlišné ploidii je ale lze za využití průtokové cytometrie jednoznačně odlišit. Na většině analyzovaných lokalit se nacházeli buď pouze jedinci čisté *P. fruticosa* nebo hybridy prvního či druhého typu. Jen čtyři populace byly smíšené. Ve dvou z nich byla zjištěna kontinuální variabilita v absolutní velikosti genomu, která by mohla poukazovat na výskyt hybridních rojů zahrnující různě pokročilé hybridy včetně zpětných kříženců. Jedná se však pouze o nepřímé důkazy případně probíhající introgrese, která by musela být potvrzena molekulárními markery (např. mikrosatelity).

Diplomová práce hodnotí také morfologickou variabilitu a variabilitu v absolutní velikosti genomu u kultivarů *P. avium* a *P. cerasus* pěstovaných v genofondových sbírkách. U kultivarů *P. cerasus* byla nalezena větší variabilita v absolutní velikosti genomu než je běžně udávána.

**Klíčová slova:** *Prunus fruticosa*, *P. cerasus*, *P. avium*, mezidruhová hybridizace, absolutní velikost genomu, průtoková cytometrie, klasická morfometrika, geometrická morfometrika