

## **Abstrakt**

Posttranslační modifikace mají důležitou úlohu v regulaci buněčných pochodů včetně metabolismu, růstu, diferenciaci, transkripční aktivace, membránového přenosu a buněčného stárnutí. Experimentální detekce PTM (zejména fosforylace) za použití protilátek je stále časově i finančně náročná. Rozvoj *in silico* metod pro predikci fosforylace byl v posledních letech ovlivněn velkým nárůstem sekvenčních dat, které jsou vhodným zdrojem pro „trénink“, zpracování a výslednou interpretaci predikčních výsledků. *In silico* predikce PTM může tedy usnadnit identifikaci potenciálních fosforylačních míst a urychlit tím základní výzkum.