

Bylo provedeno několik příkladových studií na různých úrovních (populační, regionální, komparativní atd.), jejichž cílem bylo zjištění významnosti zdrojů variability rodu *Pilosella* (Asteraceae) a sledování mikroevolučních trendů. Série pokusů na různých prostorových úrovních a srovnávací studie blízce příbuzné skupiny (s částečně odlišným typem probíhající mikroevoluce - rod *Picris*) jasně naznačily společné typy procesů a současně vyzdvihly jedinečnost rodu *Pilosella*. Mikroevoluční potenciál byl zjišťován na populační úrovni pomocí morfometriky (hybridizační tendence vysoce komplikovaného hybridního roje v Praze Vysočanech). Posléze byla studována cytogeografie druhu *Pilosella officinarum* na regionální škále (střední Evropa). Tetraploidní cytotyp byl detekován téměř výhradně v Čechách a dále na západ, zatímco pentaploidní a hexaploidní cytotyp převažoval na Moravě a na Slovensku a dále na jihovýchod. Následovalo morfometrické zhodnocení tří nejběžnějších ploidních úrovní (4x, 5x a 6x) *P. officinarum* v kombinaci s analýzou reprodukčních způsobů. Výsledky potvrdily možnost odlišení jednotlivých cytotypů (intermediární pentaploidi se částečně překrývají s tetra- a hexaploidy). Byly též prokázány odlišné morfologické trendy sexuálních vs. apomiktických hexaploidů. Konečně byla mikroevoluce rodu *Pilosella* srovnána s *Picris hieracioides*. Pomocí absolutní velikosti genomu byla potvrzena odlišnost dvou morfologických skupin *P. hieracioides*. Absolutní velikost genomu a morfometrika rovněž odlišila balkánský endemický taxon *Picris hipidissima* od blízce příbuzného *P. hieracioides*. Srovnávací studie zástupců rodu *Picris* odhalily výrazně odlišné mikroevoluční "pattern" ve srovnání s rodem *Pilosella*.