

Abstrakt

Flebotomové jsou prokázanými přenašeči řady patogenů, včetně parazitů rodu *Leishmania*. Vývoj leishmanií probíhá ve střevě přenašeče, které je zároveň kolonizováno řadou dalších mikroorganismů tvořících společenství nazývané střevní mikrobiota. Přítomnost a složení střevní mikrobioty může mít vliv na mortalitu flebotomů, ale také na vývoj přenášeného patogena. Na rozdíl od komárů je tato problematika u flebotomů málo prozkoumána. Předložená diplomová práce se zaměřuje na bakterie rodu *Asaia* a *Wolbachia* a jejich možný vliv na vývoj leishmanií ve střevě přenašeče.

Práce přináší první informace o výskytu bakterií *Asaia* sp. a *Wolbachia* sp. u flebotomů z Balkánského poloostrova – ohniska viscerální leishmaniózy a onemocnění působených fleboviry. U 237 jedinců z podrodu *Larroussius* byly *Asaia* sp. a *Wolbachia* sp. detekovány s prevalencí 2,5 % a 8,4 %. Zároveň byly na přítomnost těchto bakterií prostudovány laboratorní kolonie flebotomů. Z dvanácti studovaných kolonií byl pouze u jedné (*Phlebotomus perniciosus*) detekován pouze rod *Wolbachia*. Následovaly pokusy o eliminaci *Wolbachia* sp. z této laboratorní kolonie, s cílem budoucího využití *Wolbachia*-negativních flebotomů při experimentálních infekcích s leishmaniemi.

Závěrečná část diplomové práce byla věnována bakteriím rodu *Asaia*, konkrétně druhu *A. krungthepensis*, jejich experimentální infekci flebotomů *Phlebotomus duboscqi* a superinfekci s *Leishmania major*. Bakterie rodu *Asaia* kolonizovaly střevo flebotomů a ovlivnily lokalizaci leishmanií ve střevě. Toto zjištění může být důležité pro přenos a epidemiologii leishmanióz.

Klíčová slova: *Lutzomyia*, *Phlebotomus*, *Asaia*, *Wolbachia*, *Leishmania*