

ERRATA

Název práce: Buněčné mechanizmy regulace kanálu TRPA1

Jméno řešitele: Bc. Kristýna Barvíková

Vedoucí práce: RNDr. Viktorie Vlachová, DrSc.

Konzultant: doc. RNDr. Miroslav Šulc, Ph.D.

Konzultant: RNDr. Ivan Barvík Jr., Ph.D.

Oponent: Prof. RNDr. Jiří Hudeček, CSc.

1. Na straně 51 je opraven první odstavec.

Chybně:

„...Třetím programem je NetPhorest 2.1 [112], který využívá databázi konsenzuálních sekvenčních motivů pro tyrosin, serin a threonin kinasy. Stejně jako v případě programu NetPhos 3.1 je predikce vyhodnocována v hodnotách skóre 0–1 (viz předchozí odstavec) a prahová hodnota byla pro analýzu nastavena na 0,5.“

Správně:

„...Třetím programem je NetPhorest 2.1 [112], který využívá databázi konsenzuálních sekvenčních motivů pro tyrosin, serin a threonin kinasy. Stejně jako v případě programu NetPhos 3.1 je predikce vyhodnocována v hodnotách skóre 0–1 (viz předchozí odstavec).“

2. V tabulce č. 6 (str. 51) jsou chybně popsány aminokyselinové zbytky threoninů: Tyr670 a Tyr673.

Chybně:

Tabulka 6: *Výsledky predikcí potenciálních fosforylačních míst lidského TRPA1 pomocí predikčních serverů a hodnoty skóre pro predikované kinasy*

	GPS 5.0			NetPhos 3.1		NetPhorest 2.1	
	kinasa	skóre	cut-off	kinasa	skóre	kinasa	skóre
Ser443	PKC	4,2	1,8	PKC	0,793	PKC	0,29
				nesp.	0,780		
Ser602	PKC	4,4	2,1	PKC	0,679	PKC	0,35
		15,5	15,4	nesp.	0,520		
Tyr670	PKC	9,0	8,7	nesp.	0,621	PKC	0,21
				PKC	0,603		
Tyr673		-		nesp.	0,534	CDK	0,19
Ser1002	PKC	113,9	104,6	nesp.	0,902		-
				PKC	0,603		

Správně:

Tabulka 6: *Výsledky predikcí potenciálních fosforylačních míst lidského TRPA1 pomocí predikčních serverů a hodnoty skóre pro predikované kinasy*

	GPS 5.0			NetPhos 3.1		NetPhorest 2.1	
	kinasa	skóre	cut-off	kinasa	skóre	kinasa	skóre
Ser443	PKC	4,2	1,8	PKC	0,793	PKC	0,29
				nesp.	0,780		
Ser602	PKC	4,4	2,1	PKC	0,679	PKC	0,35
		15,5	15,4	nesp.	0,520		
Thr670	PKC	9,0	8,7	nesp.	0,621	PKC	0,21
				PKC	0,603		
Thr673	-			nesp.	0,534	CDK	0,19
Ser1002	PKC	113,9	104,6	nesp.	0,902	-	
				PKC	0,603		

3. V textu na straně 61–62 (první, třetí a čtvrtý odstavec) jsou chybně označeny aminokyselinové zbytky threoninu jako tyrosin.

Chybně:

„...V případě PKC byly vybrány aminokyseliny Ser119, Tyr281, Ser441, Ser455, Tyr529 a Tyr536 přičemž mutace S119A, T281A a T529A zrušily citlivost TRPA1 na PKC aktivátor forbol-12,13-dibutyát. ...“

„...Výsledkem těchto zvolených parametrů byly aminokyseliny Ser443, Ser602, Tyr670, Tyr673 a Ser1002, přičemž některé z těchto aminokyselin se vyskytují na nerozlišených flexibilních raménkách, která mohou hrát významnou roli v převodu signálu (Tyr670, Tyr673)...“

„...Pro charakterizaci Tyr673 z hlediska fosforylace jsme se rozhodli mimo jiné z toho důvodu, že se v jedné z našich předchozích studií (o fosforylaci TRPA1 kinasou Cdk5 [114]) ukázal fosfomimikující mutant T673D významně senzitivovaný oproti WT TRPA1...“

Správně:

„...V případě PKC byly vybrány aminokyseliny Ser119, Thr281, Ser441, Ser455, Thr529 a Thr536 přičemž mutace S119A, T281A a T529A zrušily citlivost TRPA1 na PKC aktivátor forbol-12,13-dibutyát. ...“

„...Výsledkem těchto zvolených parametrů byly aminokyseliny Ser443, Ser602, Thr670, Thr673 a Ser1002, přičemž některé z těchto aminokyselin se vyskytují na nerozlišených flexibilních raménkách, která mohou hrát významnou roli v převodu signálu (Thr670, Thr673)...“

„...Pro charakterizaci Thr673 z hlediska fosforylace jsme se rozhodli mimo jiné z toho důvodu, že se v jedné z našich předchozích studií (o fosforylaci TRPA1 kinasou Cdk5 [114]) ukázal fosfomimikující mutant T673D významně senzitivovaný oproti WT TRPA1...“

4. Na straně 65 v prvním odstavci je chybně označena aminokyselina threonin za tyrosin.

Chybně:

„...Nejvýraznější účinek má záměna argininu 604 za tyrosin...“

Správně:

„...Nejvýraznější účinek má záměna argininu 604 za threonin...“

5. Na straně 66 je ve třetím bodě chybně označen aminokyselinový zbytek threoninu 670 a 673 jako tyrosin.

Chybně:

„...Za využití tří predikčních serverů (GPS 5.0, NetPhos 3.1 a NetPhorest 2.1) jsme vybrali potenciální fosforylační místa pro proteinkinasu C – Ser443, Ser602, Tyr670, Tyr673 a Ser1002...“

Správně:

„...Za využití tří predikčních serverů (GPS 5.0, NetPhos 3.1 a NetPhorest 2.1) jsme vybrali potenciální fosforylační místa pro proteinkinasu C – Ser443, Ser602, Thr670, Thr673 a Ser1002...“