

Rozmanitosť ľudského proteómu vychádza zo schopnosti jedného génového lokusu kódovať viacero proteínových izoformiem. Gény *TCF/LEF* produkujú široké spektrum variant, čím rozširujú pole pôsobnosti TCF/LEF proteínov. Transkripčné faktory TCF/LEF regulujú cieľové gény Wnt signálnej dráhy. Diplomová práca využíva modelový organizmus *Caenorhabditis elegans*, u ktorého študuje gén *pop-1*, ortológ *TCF/LEF*. Hybridizačnou metódou Northern blot sme sa pokúsili overiť prítomnosť *pop-1* alternatívnej mRNA. Pomocou kvantitatívnej RT-PCR sme analyzovali hladinu *pop-1* mRNA.

Kľúčové slová:

kanonická Wnt signálna dráha, transkripčné faktory TCF/LEF, *Caenorhabditis elegans*, *pop-1*