

## Abstrakt

Z 23 evropských a severoamerických kmenů druhového komplexu *Euastrum humerosum/didelta* (Desmidiáles) jsme získali 3 evoluční linie v molekulárním markeru trnG<sup>unc</sup> intronu (druhého typu). U SSU intronu jsme nezískali signifikantní a jednotné výsledky. Je pravděpodobné, že jsou linie velice mladé. Linie byly signifikantně odlišné svým tvarem a rozměry. Použili jsme geometrickou morfometriku a měření rozměrů délky a šířky semicely, isthmu a jejich poměrů. V některých kmenech byla vysoká morfologická variabilita. Různé morfy v sebe přecházely a lišily se ve vroubkování bazálního laloku. Linie se lišily především svými rozměry a tvarově variabilními polárními laloky, včetně krku. SEM odhalila jeden centrální pór, oproti *E. didelta* var. *bengalicum*, který je v literatuře uváděn s póry dvěma.

Klíčová slova: krásivky, druhy, skrytá diverzita, molekulární fylogenetika, geometrická morfometrika, *Euastrum*, skenovací elektronová mikroskopie